



Giulio Settanni



E-mail: giulio.settanni@sacrocuore.it



Sesso: Maschile Data di nascita: 30/12/1987 Nazionalità: Italiana

ESPERIENZA LAVORATIVA

[01/07/2021 – Attuale]

Direttore Struttura Semplice Laboratorio di Biologia Molecolare

IRCCS Ospedale Sacro Cuore - Don Calabria, Anatomia Patologica, direttore: prof. Giuseppe Zamboni

Città: Negrar di Valpolicella

Paese: Italia

1. Responsabile del laboratorio di Biologia Molecolare afferente al servizio di Anatomia ad Istologia Patologica.
2. Diagnostica Molecolare delle neoplasie Solide.
3. Diagnostica Molecolare dei tumori ereditari.

[01/03/2016 – Attuale]

Dirigente Sanitario Biologo

IRCCS Ospedale Sacro Cuore - Don Calabria, Anatomia Patologica, direttore: prof. Giuseppe Zamboni www.sacrocuore.it

Indirizzo: Via Don A. Semprebboni, 5, 37024, Negrar (VERONA), Italia

Città: Verona

Paese: Italia

Impresa o settore: Sanità e assistenza sociale

1. Analisi bioinformatica, annotazione ed interpretazione dei dati di sequenziamento NGS.
2. Valutazione delle alterazioni molecolari (SNVs e CNVs) germinali e somatiche a carico dei geni BRCA 1 e BRCA2 mediante Next Generation Sequencing con tecnologia Ion Torrent (piattaforma PGM-Dx/GeneStudio S5).
3. Valutazione delle alterazioni molecolari (SNVs e CNVs) germinali a carico di 50 geni correlati a patologie oncologiche ereditarie mediante Next Generation Sequencing con tecnologia Ion Torrent (piattaforma PGM-Dx/GeneStudio S5).
4. Analisi MLPA dei riarrangiamenti genici a carico di BRCA1 e BRCA2 e dei geni correlati a Sindrome di Lynch su sequenziatore ABI3500.
5. Caratterizzazione molecolare basata su pannelli multigene a scopi predittivi e/o prognostici su tumori solidi inclusi in paraffina mediante Next Generation Sequencing con tecnologia Ion Torrent (piattaforma PGM-Dx/GeneStudio S5).
6. Identificazione di ri-arrangiamenti genici basata sull'individuazione di trascritti di fusione mediante Next Generation Sequencing con tecnologia Ion Torrent (piattaforma PGM-DX/ GeneStudio S5).
7. Caratterizzazione molecolare dell'RNA virale di SARS-Cov2 mediante Real Time PCR durante la pandemia da COVID-19.
8. Estrazione di DNA tumorale circolante da campioni di plasma fresco (Liquid Biopsy) e successiva caratterizzazione molecolare mediante Real-Time PCR, in particolare per le resistenze acquisite ai farmaci TKI nel tumore del polmone non a piccole cellule.
9. Valutazione molecolare dei riarrangiamenti a carico delle Immunoglobuline e del T-Cell Receptor (Beta e Gamma) mediante analisi diframmenti (InvivoScribe).
10. Valutazione qualitativa e quantitativa degli acidi nucleici (DNA ed RNA) estratti da FFPE, sangue, plasma (Liquid biopsy), tessuto fresco mediante piattaforma Agilent 4200 Tape Station.
11. Screening diagnostici molecolari rivolti all'individuazione di varianti somatiche nei geni EGFR, KRAS, NRAS, BRAF mediante RealTime PCR.
12. Caratterizzazione molecolare di infezioni da HPV su campioni prelevati tramite Pap-Test mediante RealTime PCR.
13. Screening diagnostici molecolari mediante real-time PCR su piattaforma QIAGEN RotorGene Q MDx (CE IVD platform).
14. Estrazione acidi nucleici (DNA-RNA) da sangue e tessuto FFPE.
15. Refertazione e firma delle analisi molecolari precedentemente descritte.

[01/03/2020 – Attuale]

Specializzando in Genetica Medica

Università di Padova, Dip. Genetica Clinica ed Epidemiologia, Direttore: Prof. Salviati

Città: Padova

Paese: Italia

- Diagnostica citogenetica mediante cariotipo ad alta risoluzione ed analisi FISH;
- CGH Array;
- NGS nell'ambito di patologie genetiche, neurodegenerative e del metabolismo mediante l'utilizzo di pannelli genici e analisi esomiche su piattaforma Illumina;
- Sanger Sequencing.

[05/2019 – 06/2019]

Clinical Visiting Observer

Memorial Sloan Kettering Cancer Center, Department of Pathology

Indirizzo: New York, Stati Uniti

Città: New York

Paese: Stati Uniti

Partecipazione ad interpretazione e refertazione degli esami di diagnostica molecolare svolti mediante pannello NGS MSK-IMPACT (MSKCC diagnostic panel, FDA-approved), pannello RNA Archer Solid Tumor (ArcherDX FusionPlex), diagnostica molecolare emato-oncologica mediante analisi di frammenti (InvivoScribe).

[01/01/2012 – 29/02/2016]

Collaboratore professionale Biologo

Fondazione IRCCS Istituto Nazionale dei Tumori, Anatomia Patologica, dir.: Prof. Giuseppe Pelosi www.istitutotumori.mi.it

Indirizzo: Via Giacomo Venezian, 1, 20133, Milano, Italia

Città: Milano

Paese: Italia

Impresa o settore: Sanità e assistenza sociale

In questo periodo mi sono occupato della caratterizzazione molecolare di tumori del polmone, dell'apparato digerente, melanomi, tumori solidi infantili al fine di tracciarne un profilo molecolare, in un'ottica di medicina oncologica personalizzata per il paziente malato di cancro.

In questo periodo ho acquisito competenze metodologiche relative a:

1. Sequenziamento Next Generation con tecnologia Ion Torrent con sequenziatore Personal Genome Machine di Life Technologies.
2. Valutazione dello stato mutazionale di ampi set di geni mediante Hotspot Cancer Panel V2 e Comprehensive Cancer Panel di Life Technologies.
3. Caratterizzazione di ri-arrangiamenti genici a livello dei geni ALK, ROS1, RET ed NTRK1 mediante utilizzo del pannello Ion Ampliseq RNA Fusion Lung Cancer Research Panel di Life Technologies su piattaforma Ion Torrent.
4. Progettazione e messa a punto di pannelli genici personalizzati mediante l'utilizzo del programma Ampliseq Designer, validazione degli stessi e loro impiego a scopi di ricerca e diagnostici.
5. Utilizzo di Tools bioinformatici per la validazione e l'annotazione dei dati ottenuti in next generation sequencing: Ion Torrent Variant Caller, Ensembl Variant effect predictor, Life Technologies Ion Reporter.
6. Estrazione di acidi nucleici da campioni FFPE e tessuti congelati.
7. Valutazione quantitativa e qualitativa del materiale genetico con Nanodrop, Agilent Bioanalyzer ed Invitrogen QuBit.
8. Amplificazione degli acidi nucleici mediante PCR e visualizzazione degli amplificati mediante elettroforesi su gel.
9. Utilizzo di macchinari Hamilton Microlab Starlet per l'allestimento di PCR e per la fase di purificazione dei campioni destinati al sequenziamento sanger.
10. Valutazione dello stato di metilazione dei geni mediante l'impiego di bisolfito.
11. Valutazione dell'instabilità delle sequenze microsatellite e della perdita di eterozigotà (LOH) mediante l'utilizzo di primers fluorescenti amplificati con PCR.
12. Analisi della clonalità linfoide B e T tramite PCR.
13. Valutazione dell'appartenenza di un campione di DNA ad uno specifico campione biologico mediante l'analisi di sequenze altamente polimorfiche attraverso metodiche di biologia forense.
14. Sequenziamento genico automatizzato con metodo Sanger con sequenziatore Applied Biosystem 3500 Dx Genetic Analyzer.
15. Valutazione dello stato mutazionale dei geni utilizzando i programmi bioinformatici Chromas PRO e Gene Mapper.
16. Refertazione delle indagini svolte con le metodiche precedentemente descritte.

[01/05/2009 – 28/09/2011] **Tirocinante**

Università degli Studi di Ferrara, Dip. di Medicina Sperimentale e Diagnostica, Patologia Generale www.unife.it

Indirizzo: Via Savonarola, 9, 44121, Ferrara, Italia

Città: Ferrara

Paese: Italia

Principale responsabile dello svolgimento degli esperimenti relativi ad una attività di ricerca volta a correlare l'attività dei recettori purinergici P2X con le cause della morte dei neuroni nell'Alzheimer.

In questo periodo ho acquisito competenze tecniche relative a:

1. Utilizzo abituale di cappe di aspirazione per lavorare in sterilità.
2. Crescita e mantenimento di colture cellulari umane e animali.
3. Misurazioni delle concentrazioni ioniche intracellulari, della permeabilità di membrana, e del potenziale di membrana. Ciò utilizzando un fluorimetro LS50 Perkin-Elmer.
4. Individuazione e studio delle sequenze di acido nucleico con PCR.
5. Osservazione della morfologia nucleare e cellulare con microscopia in contrasto di fase.
6. Microscopia confocale in fluorescenza.
7. Real time PCR.
8. Utilizzo di tecniche spettroscopiche per la misurazione dei livelli di LDH per valutare il tasso di morte per necrosi all'interno di colture cellulari.
9. Massiccio utilizzo di Excel per l'elaborazione dei dati sperimentali e per la stesura dei relativi grafici.

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

[01/03/2020 – Attuale]

Scuola di Specializzazione in Genetica Medica

Università Degli Studi di Padova, Facoltà di Medicina e Chirurgia

[10/2009 – 09/2011]

Laurea Magistrale in Scienze Biomolecolari e Cellulari con la votazione di 110/110 e la lode.

Università degli studi di Ferrara, Facoltà di scienze FF.MM.NN.

Indirizzo: Via Savonarola, 9, 44121, Ferrara, Italia

[10/2006 – 10/2009]

Laurea in Scienze Biologiche con la votazione di 110/110 e la lode.

Università degli studi di Ferrara, Facoltà di scienze FF.MM.NN. www.unife.it

Indirizzo: Via Savonarola, 9, 44121, Ferrara, Italia

[12/2013]

Abilitazione all'esercizio della professione di Biologo ed iscrizione all'Ordine Nazionale dei Biologi (N. AA_070569)

Università degli studi dell'Insubria www.uninsubria.it

Indirizzo: Via Ravasi, 2, 21100, Varese, Italia

[09/2001 – 07/2006]

Diploma di maturità scientifica con la votazione di 90/100.

Liceo Scientifico Statale "G. Galilei"

Indirizzo: Via Sorani, s.n.c., 74024, Manduria (TA), Italia

COMPETENZE LINGUISTICHE

Lingua madre: italiano

Altre lingue:

inglese

ASCOLTO C1 LETTURA C2 SCRITTURA C1

PRODUZIONE ORALE C1 INTERAZIONE ORALE C1

PUBBLICAZIONI

[2014]

Different clinical effects upon separate inhibition of coexisting EGFR and PI3KCA mutations in a lung adenocarcinoma patient.

Riferimento: PMID:25555368

[Different clinical effects upon separate inhibition of coexisting EGFR and PI3KCA mutations in a lung adenocarcinoma patient.](#)

Tiseo M, Bersanelli M, Perrone F, Tamborini E, Settanni G, Busico A, Rossi G, Ardizzoni A, Pelosi G. Lung Cancer. 2015 Feb;87(2):204-6. doi: 10.1016/j.lungcan.2014.12.008. Epub 2014 Dec 19.

[2015]

Dissecting pulmonary large cell carcinoma by targeted next generation sequencing of several cancer genes pushes genotypic-phenotypic correlations to emerge.

Riferimento: PMID:26317919

[Dissecting pulmonary large cell carcinoma by targeted next generation sequencing of several cancer genes pushes genotypic-phenotypic correlations to emerge.](#)

Pelosi G, Fabbri A, Papotti M, Rossi G, Cavazza A, Righi L, Tamborini E, Perrone F, Settanni G, Busico A, Testi MA, Maisonneuve P, De Braud F, Garassino M, Valeri B, Sonzogni A, Pastorino U.

J Thorac Oncol. 2015 Aug 26.

PMID:26317919

[2015]

Challenging Lung Carcinoma with Coexistent Δ Np63/p40 and Thyroid Transcription Factor-1 Labeling Within the Same Individual Tumor Cells.

Riferimento: PMID: 26398824

[Challenging Lung Carcinoma with Coexistent \$\Delta\$ Np63/p40 and Thyroid Transcription Factor-1 Labeling Within the Same Individual Tumor Cells.](#)

Pelosi G, Fabbri A, Tamborini E, Perrone F, Testi AM, Settanni G, Busico A, Centonze G, Braidotti P, Bulfamante G, De Braud F, Garassino M, Pastorino U.

J Thorac Oncol. 2015 Oct;10(10):1500-2. doi: 10.1097/JTO.0000000000000553.

[2016]

Doing more with less: fluorescence in situ hybridization and gene sequencing assays can be reliably performed on archival stained tumor tissue sections

Riferimento: PMID: 26818831

[Doing more with less: fluorescence in situ hybridization and gene sequencing assays can be reliably performed on archival stained tumor tissue sections](#)

Pelosi G, Perrone F, Tamborini E, Fabbri A, Testi MA, Busico A, Settanni G, Picciani B, Bovio E, Sonzogni A, Valeri B, Garassino M, De Braud F, Pastorino U.

Virchows Arch. 2016 Apr;468(4):451-61. doi: 10.1007/s00428-016-1906-0.

[2016]

Deciphering intra-tumor heterogeneity of lung adenocarcinoma confirms that dominant, branching, and private gene mutations occur within individual tumor nodules.

Riferimento: PMID: 27056568

[Deciphering intra-tumor heterogeneity of lung adenocarcinoma confirms that dominant, branching, and private gene mutations occur within individual tumor nodules.](#)

Pelosi G, Pellegrinelli A, Fabbri A, Tamborini E, Perrone F, Settanni G, Busico A, Picciani B, Testi MA, Militti L, Maisonneuve P, Valeri B, Sonzogni A, Proto C, Garassino M, De Braud F, Pastorino U.

Virchows Arch. 2016 Apr 7.

[2016] **Brief Report: G48A, a New KRAS Mutation Found in Lung Adenocarcinoma.**

Riferimento: PMID: 27058911

[Brief Report: G48A, a New KRAS Mutation Found in Lung Adenocarcinoma.](#)

Marabese M, Caiola E, Garassino MC, Rastelli G, Settanni G, Brugnara S, Broggin M, Ganzinelli M.

J Thorac Oncol. 2016 Apr 4. pii: S1556-0864(16)30070-3. doi: 10.1016/j.jtho.2016.03.013.

PMID: 27058911

[2016] **AKT1 and BRAF mutations in pediatric aggressive fibromatosis.**

Riferimento: PMID: 27062580

[AKT1 and BRAF mutations in pediatric aggressive fibromatosis.](#)

Meazza C, Belfiore A, Busico A, Settanni G, Paielli N, Cesana L, Ferrari A, Chiaravalli S, Massimino M, Gronchi A, Colombo C, Pilotti S, Perrone F.

Cancer Med. 2016 Apr 8. doi: 10.1002/cam4.669.

[2016]

GNAS mutations as prognostic biomarker in patients with relapsed peritoneal pseudomyxoma receiving metronomic capecitabine and bevacizumab: a clinical and translational study.

Riferimento: PMID: 27154293

[GNAS mutations as prognostic biomarker in patients with relapsed peritoneal pseudomyxoma receiving metronomic capecitabine and bevacizumab: a clinical and translational study.](#)

Pietrantonio F, Berenato R, Maggi C, Caporale M, Milione M, Perrone F, Tamborini E, Baratti D, Kusamura S, Mariani L, Niger M, Mennitto A, Gloghini A, Bossi I, Settanni G, Busico A, Bagnoli PF, Di Bartolomeo M, Deraco M, de Braud F.

J Transl Med. 2016 May 6;14(1):125. doi: 10.1186/s12967-016-0877-x.

[2016] **Towards the molecular dissection of peritoneal pseudomyxoma.**

Riferimento: PMID: 27502722

[Towards the molecular dissection of peritoneal pseudomyxoma.](#)

Pietrantonio F, Perrone F, Mennitto A, Gleeson EM, Milione M, Tamborini E, Busico A, **Settanni G**, Berenato R, Caporale M, Morano F, Bossi I, Pellegrinelli A, Di Bartolomeo M, de Braud F, Baratti D, Bowne WB, Kusamura S, Deraco M.

Ann Oncol. 2016 Aug 8. pii: mdw314.

[2020]

A Multi-Center, Real-Life Experience on Liquid Biopsy Practice for EGFR Testing in Non-Small Cell Lung Cancer (NSCLC) Patients.

Riferimento: PMID: 32998450

[A Multi-Center, Real-Life Experience on Liquid Biopsy Practice for EGFR Testing in Non-Small Cell Lung Cancer \(NSCLC\) Patients.](#)

Cortiula F, Pasello G, Follador A, Nardo G, Polo V, Scquizzato E, Del Conte A, Miorin M, Giovanis P, D'Urso A, Girlando S, **Settanni G**, Picece V, Vecchia A, Corvaja C, Indraccolo S, De Maglio G. Diagnostics (Basel). 2020 Sep 28;10(10):765. doi: 10.3390/diagnostics10100765.

[2021]

[TSC loss is a clonal event in eosinophilic solid and cystic renal cell carcinoma: a multiregional tumor sampling study.](#)

Riferimento: PMID: 33990704

[TSC loss is a clonal event in eosinophilic solid and cystic renal cell carcinoma: a multiregional tumor sampling study.](#)

Munari E, **Settanni G**, Calì A, Segala D, Lonardi S, Sandrini S, Vacca P, Tumino N, Marconi M, Brunelli M, Gobbo S, Netto GJ, Moretta L, Zamboni G, Martignoni G. Mod Pathol. 2022 Mar;35(3):376-385. doi: 10.1038/s41379-021-00816-8. Epub 2021

Autorizzo il trattamento dei miei dati personali presenti nel CV ai sensi dell'art. 13 d. lgs. 30 giugno 2003 n. 196 - "Codice in materia di protezione dei dati personali" e dell'art. 13 GDPR 679/16 - "Regolamento europeo sulla protezione dei dati personali".

Verona, 21/04/2023



Giulio Settanni