

**FORMATO EUROPEO
PER IL CURRICULUM
VITAE**



INFORMAZIONI PERSONALI

Nome

MARTA ANGELINI

E-mail

marta.angelini@sacrocuore.it

Nazionalità

ITALIANA

Data di nascita

12/04/1995

ESPERIENZA LAVORATIVA

• Dicembre 2023 - Attuale

Biotecnologo - IRCCS Ospedale Sacro Cuore - Don Calabria, Verona

Laboratorio di Biologia Molecolare, Anatomia Patologica

Prof. Giuseppe Zamboni

- Caratterizzazione molecolare del profilo mutazionale di tumori solidi inclusi in paraffina mediante tecnologia NGS ai fini di evidenziare marcatori molecolari con valore prognostico e predittivo nel contesto della terapia personalizzata (piattaforme Genexus Dx, GeneStudio S5 con tecnologia Ion Torrent)
- Estrazione di DNA tumorale circolante da campioni di plasma fresco (Liquid Biopsy) e successiva caratterizzazione molecolare mediante NGS per il monitoraggio di resistenze acquisite ai farmaci a bersaglio molecolare
- Valutazione dello stato HRD (Homologous Recombination Deficiency) per l'analisi dell'instabilità genomica a fini predittivi in pazienti affette da tumore sieroso di alto grado dell'ovaio tramite tecnologia NGS Illumina (piattaforma NextSeq1000)
- Analisi dell'instabilità dei microsatelliti per l'indagine delle alterazioni del sistema MMR (Mismatch Repair)
- Valutazione delle alterazioni molecolari (SNVs e CNVs) germinali a carico dei principali geni correlati a sindromi da predisposizione ereditaria ai tumori mediante NGS e sequenziamento Sanger
- Annotazione ed interpretazione dei dati di sequenziamento NGS
- Analisi MLPA dei riarrangiamenti genici a carico dei geni correlati a sindromi da predisposizione ereditaria ai tumori
- Valutazione qualitativa e quantitativa degli acidi nucleici (DNA e RNA) estratti da FFPE, sangue intero, plasma (Liquid Biopsy), tessuto fresco mediante piattaforma Agilent 4200 Tape Station
- Caratterizzazione molecolare di infezioni da HPV su campioni prelevati tramite Pap-Test mediante RealTime PCR.

• Settembre 2021 – Ottobre 2023

Biotechnologo - IRCCS Istituto Nazionale dei Tumori, Milano

Laboratorio di Patologia Molecolare e Diagnostica Avanzata, Anatomia Patologica 2

Prof. Giancarlo Pruneri

- Preparazione manuale di librerie genomiche utilizzando la tecnologia amplicon based Targeted-DNA Sequencing da campioni FFPE e campioni di plasma (pannelli NGS: Cancer Hotspot, GIST, LKB-1, BRCA1/2, Archer FusionPlex Sarcoma, Oncomine Comprehensive Assay Plus DNA e RNA utilizzando Ion AmpliSeq™ Library Kit Plus; Oncomine™ Colon/Lung cfDNA Assay)
- Preparazione manuale di librerie genomiche utilizzando la tecnologia capture-based Targeted-DNA Sequencing da campioni FFPE (pannelli NGS: AVENIO Tumor Tissue CGP Kit)
- Applicazione delle tecnologie di Next Generation Sequencing (Ion Torrent Technology: Ion Torrent Personal Genome Machine (PGM), Ion S5/S5 XL NGS Systems)
- Applicazione del sequenziamento Sanger per valutare lo stato di stabilità dei microsatelliti e determinare mutazioni puntiformi o piccole delezioni/duplicazioni
- Analisi dell'instabilità dei microsatelliti (Gene Mapper Software)
- Valutazione della suscettibilità alla terapia/chemioterapia: analisi delle mutazioni EGFR/BRAF (RotorGene Software Analysis) e analisi dei polimorfismi DPYD/UGT1A1 (EasyPGX® Analysis Software)
- Estrazione di DNA e RNA da campioni FFPE (Maxwell® RSC) ed estrazione di cfDNA da campioni di sangue intero e plasma (Maxwell® RSC, MagMAX™ Cell-Free DNA Isolation Kit)

• Gennaio 2021 – Luglio 2021

Stagista - Clinical Study Coordinator

CROS NT, The Centre of Excellence for Clinical Trial Data, Verona

• Gennaio 2020 - Dicembre 2020

Biotechnologo - Università degli Studi di Verona

Unità di Chirurgia Traslazionale, Dipartimento di Scienze Chirurgiche

Odontostomatologiche e Materno-Infantili

Prof. Claudio Bassi

- Generazione e mantenimento di colture 3D di organoidi originate da biopsie raccolte durante l'intervento chirurgico di pazienti affetti da PDAC e IPMN
- Analisi molecolare dell'espressione genica su tessuti di pazienti affetti da PDAC
- Ibridazione in situ fluorescente su campioni di tessuto pancreatico per studiare l'espressione genica nel sito primario di tumore
- Sviluppo di tecniche diagnostiche per lo screening di campioni di sangue con lo scopo di migliorare la diagnosi precoce di PDAC e monitorare le ricadute post trattamento
- Applicazione di tecniche di citofluorimetria (FACSCanto) per studiare l'espressione di specifici marcatori di superficie e valutare nuovi potenziali biomarcatori clinici per valutare la presenza di cellule PDA circolanti
- Processamento di campioni di sangue per generare una coorte multi-site di individui con storia familiare di PDAC portatori di varianti germinali patogene (PGV) nei geni legati al rischio di sviluppare PDAC.

• Novembre 2018 – Ottobre 2019

Tirocinante - IRCCS IEO-Istituto Europeo di Oncologia, Milano

Dipartimento di Oncologia Sperimentale, Unità di Meccanismi Epigenetici nel Differenziamento delle Cellule Staminali

Prof. Diego Pasini

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

- Novembre 2023 – Attuale
- Settembre 2022
- Ottobre 2017- Ottobre 2019
- Ottobre 2014 - Luglio 2017
- Giugno 2014

Scuola di Specializzazione in Genetica Medica

Università degli Studi di Verona

Abilitazione all'Esercizio della Professione di Biologo, Sez. A

Università degli Studi della Tuscia

Laurea Magistrale in Molecular and Medical Biotechnology (LM-9)

Università degli Studi di Verona

110/110 LODE

Laurea Triennale in Biotecnologie

Università degli Studi di Padova

110/110 LODE

Diploma di Maturità Scientifica

Liceo Scientifico G. B. Benedetti, Venezia

95/100

CAPACITÀ E COMPETENZE

PERSONALI

MADRELINGUA

ITALIANO

ALTRE LINGUA

INGLESE

ECCELLENTE

ECCELLENTE

ECCELLENTE

SPAGNOLO

BUONA

BUONA

BUONA

- Capacità di lettura
- Capacità di scrittura
- Capacità di espressione orale

- Capacità di lettura
- Capacità di scrittura
- Capacità di espressione orale

PATENTE O PATENTI

Patente B, Automunita

**PUBBLICAZIONI
SCIENTIFICHE**

M.M. Germani, D. Rossini, G. Vetere, M. Giordano, I. Capone, P. Manca, F. Bergamo, V. Conca, B. Borelli, A. Boccaccino, M. Angelini, F. Simionato, N. Pella, C. Moreli, G. Zucchelli, C. Cremolini. Prospective evaluation of emergent RAS and BRAF mutations in pre-treated metastatic colorectal cancer patients candidate to anti-EGFR re-treatment: Preliminary findings from the PARERE study. (ESMO Congress 2022)

Kusamura S, Busico A, Conca E, Capone I, Agnelli L, Lorenzini D, Brici S, Angelini M, Volio CC, Trupia DV, Lagano V, Torelli T, Gloghini A, Barati D, Guaglio M, Milione M, Deraco M, Perrone F. A2AR Expression and Immunosuppressive Environment Independent of KRAS and GNAS Mutations in Pseudomyxoma Peritonei. *Biomedicines*. 2023 Jul 20;11(7):2049. doi: 10.3390/biomedicines11072049. PMID: 37509688; PMCID: PMC10377259.

Vingiani et al. Molecular Tumor Board as a Clinical Tool for Converting Molecular Data Into Real-World Patient Care. *JCO Precis Oncol*. 2023 Jul;7:e2300067. doi: 10.1200/PO.23.00067. PMID: 37487147.

Azzollini J, Agnelli L, Conca E, Torelli T, Busico A, Capone I, Angelini M, Tamborini E, Perrone F, Vingiani A, Lorenzini D, Peissel B, Pruneri G, Manoukian S. Prevalence of BRCA homopolymeric indels in an ION Torrent-based tumour-to-germline testing workflow in high grade ovarian carcinoma. *Sci Rep*. 2023 May 13;13(1):7781. doi: 10.1038/s41598-023-33857-x. PMID: 37179432; PMCID: PMC10182972.

Autorizzo il trattamento dei miei dati personali ai sensi del Dlgs 196 del 30 giugno 2003 e dell'art. 13 GDPR (Regolamento UE 2016/679).

Verona, 19/08/2025

